

# 次世代シーケンシング受託解析サービス Novogene

## ヒト全ゲノムシーケンス解析

\*本サービスはNovogene社で実施します。本サービスに関する製品情報は、Novogene社web siteより一部引用・変更しています。

受託解析サービス

● 次世代シーケンシング受託解析サービスヒト全ゲノムシーケンス解析

全ゲノムシーケンシング (WGS) は、一度の解析で個人の有する全ての変異を検出することが可能であり、がんを含む様々な疾患研究やゲノム薬理学、集団遺伝学など幅広い分野で利用されています。本サービスでは、集団規模のヒト全ゲノムシーケンシングを念頭にデザインされた強力なプラットフォームであるillumina HiSeq X Ten システムを採用することにより、かつてないコストパフォーマンスを実現しています。

### サービスの仕様

使用機種	illumina HiSeq X Ten
ライブラリ種類	Paired-end 150bp (350bp insert DNA Library)
保証データ量	90 Gb
作業内容	QCチェック、ライブラリ作製、シーケンス、 バイオフィオマティクス解析 (オプション)
納品データ	HDD/USB (NTFSフォーマット) にて以下のデータを納品: ・シーケンスデータ (.fastq) ・解析データ (.bam, .vcf, .gff, .xls, .txt) ・解析レポート (.pdf, .html) * CLC Genomics Workbench試用ライセンス付属 * 解析データおよびレポートは、バイオフィオマティクス解析をお申込みいただいた場合に納品
最低注文数	1サンプル
納期 (標準)	約2ヶ月 (バイオフィオマティクス解析付: 約2.5ヶ月)

\*本サービスは、海外での解析という性質上、キャンセルはお引き受け出来ません。やむを得ない理由でキャンセルする場合、それまでの工程に応じた料金をご請求します。QC結果やライブラリ作製等の問題でサンプルを再送する場合、別途送料をご請求します。

### 必要サンプル量

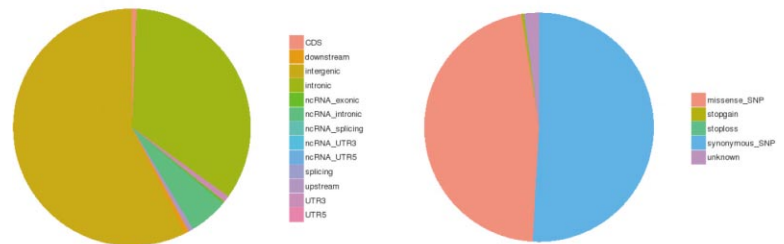
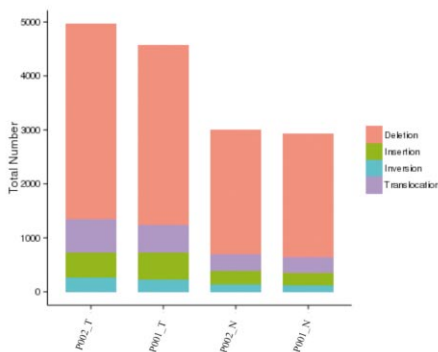
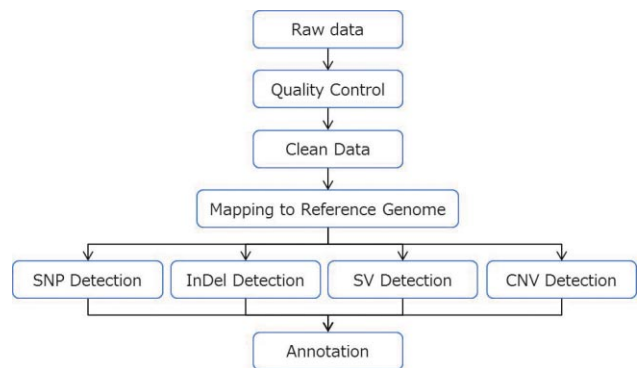
- ・ゲノムDNA: 1  $\mu$ g以上 (2  $\mu$ g以上を強く推奨)
- ・容量: 20  $\mu$ L以上
- ・濃度: 20 ng/  $\mu$ L以上
- ・OD<sub>260/280</sub>: 1.8-2.0
- ・Buffer: TE bufferまたはddH<sub>2</sub>O

- (1) 電気泳動を実施し、泳動写真を添付してください。  
\* 電気泳動は、次の条件で実施してください: 1.0% agarose gel; 1.0% TAE solution; 100V for 40 min.
- (2) RNase処理をおこない、DNAが分解されていないことを確認してください。
- (3) DNase, RNaseフリーの1.5 mLまたは2 mLのチューブを使用してください (スクリュウキャップ式を推奨します)。
- (4) ゲノムDNAは、凍結融解をできる限り避け、4°CでTE bufferまたはddH<sub>2</sub>Oにて保存してください。  
\* 長期保存の場合は、-20°Cまたは-80°Cで保存してください。
- (5) UVスペクトルベースの濃度測定法では、RNA, dsDNA, ssDNA, フリーの核酸等も同時に検出するため、ゲノムDNAの濃度測定が不正確になる場合がありますので、蛍光ベースの定量法でも確認することを強く推奨します。  
\* UVスペクトルベースで測定した場合、上記よりも多いゲノムDNAを準備してください。
- (6) サンプル送付先および注意実行につきましては、「受託解析サービスの流れ」を参照してください。

### バイオフィオマティクス解析例

- ✓ マッピング
- ✓ 変異 (SNP/InDel/SV/CNV) の検出SNP
- ✓ アノテーション

\* Tumor-Normalのペアサンプルの場合、Somatic Mutationsも検出します。  
\* 解析内容は変更される場合がありますこと、予めご了承ください。



### Price

サービス内容	保証データ量	税別価格	カタログ#
ヒト全ゲノムシーケンス受託解析サービス	90 Gb	お問い合わせ	F-Novo-WGS90
ヒト全ゲノムシーケンス受託解析サービス バイオフィオマティクス解析付	90 Gb	お問い合わせ	F-Novo-WGS90D

\* 90 Gb以上のデータ量をご希望の場合、お問い合わせください。