

フィルジェン WEBセミナー

2019. 6. 12. (水) **参加費無料**
16:00~17:00 **録画視聴希も可**

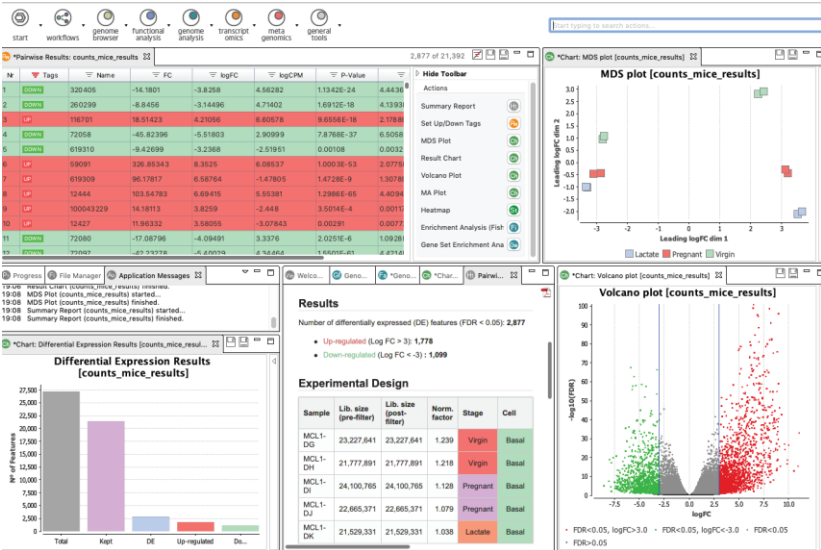
非モデル生物のRNA-Seq解析

～OmicsBoxを使用した解析機能のご紹介～

【セミナー内容】

リファレンス配列のない非モデル生物はNGSより出力されたRNA-Seqデータを組み立て解析を行う必要があり、高度なPCスペック・情報技術・組み立てた配列情報が無いなどの課題があります。

本WEBセミナーではデータのクオリティチェックから発現変動遺伝子の抽出、またそれはどのような機能か、さらに発現変動遺伝子の機能に、どのようなものが多いのかまで解析をソフトウェアの操作を交えてご説明いたします。バイオインフォマティクス技術や高度なPCスペックを必要としないソフトウェアですので初めての方も是非ご参加ください。



【Keyword】
NGSデータ解析・非モデル生物・QC・トリミング・RNA-Seq De Novo Assembly・発現比較解析・機能アノテーション付け

- 【 演 題 】 非モデル生物のRNA-Seq解析～OmicsBoxを使用した解析機能のご紹介～
- 【 日 時 】 2019年 6月 12日 (水) 16:00 ~ 17:00
- 【 プ ロ グ ラ ム 】 16:00~16:50: 機能紹介・セミナー
16:50~17:00: 質疑応答
- 【 演 者 】 フィルジェン株式会社 バイオインフォマティクス部 山元翔太
- 【 定 員 】 20名 (事前登録制: 先着順)
- 【 お 申 し 込 み 】 下記メールアドレスに、件名を「6月12日Webセミナー参加希望」と明記し、ご所属、お名前をご記入の上お申込み下さい。
e-mail: biosupport@filgen.jp
- 【 備 考 】 ご参加の際にはヘッドホン・マイクとインターネットに接続されたPCが必要となります。マイクがなくても、チャット形式で質問することが可能です。当日ご参加いただけない場合、録画視聴サイトをご案内いたします。録画視聴をご希望の方も、biosupport@filgen.jpへお申し込みください。

フィルジェン 株式会社

代理店

【お問い合わせ】 バイオインフォマティクス部
TEL: 052-624-4388 FAX: 052-624-4389
メール: biosupport@filgen.jp URL: <https://filgen.jp/>