

2018. 9. 28. (金) 16:00~17:00

参加費無料

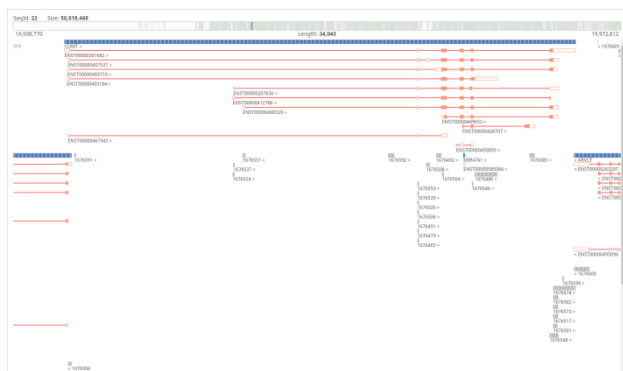
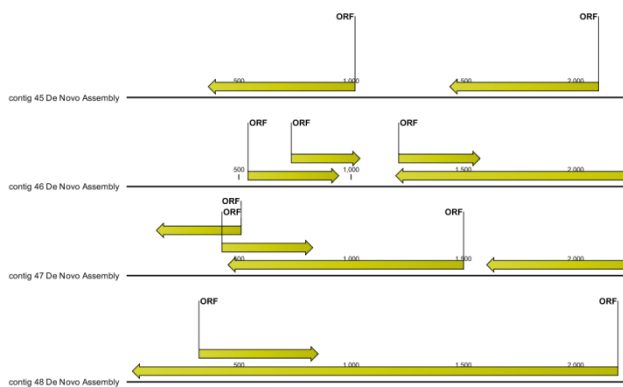
フィルジェン WEBセミナー

NGSデータ解析入門Webセミナー： De Novoシーケンス解析編

【セミナー内容】

次世代シーケンサーデータを用いて、参照ゲノム配列情報が存在しない非モデル生物などのゲノム配列構築を行うには、ゲノム配列の決定に加え、遺伝子の構造や機能情報なども正確に予測を行う必要があります。

本WEBセミナーでは、弊社より販売を行っているCLC bio（キアゲン社）とbiobam社の次世代シーケンサーデータ解析ソフトウェアを使用し、シーケンスデータのアセンブルから、配列データ内の遺伝子やORF領域の予測、さらに遺伝子配列のデータベースを用いた相同性検索までの手順を、デモンストレーションも交えてご紹介いたします。ぜひ皆様のご参加をお待ちしております。



【 演 題 】 NGSデータ解析入門セミナー：De Novoシーケンス解析編

【 日 時 】 2018年 9月 28日 (金) 16:00 ~ 17:00

【 プ ロ グ ラ ム 】 16:00~16:50:セミナー

16:50~17:00:質疑応答

【 演 者 】 フィルジェン株式会社 バイオサイエンス部 小澤拓也

【 定 員 】 20名 (事前登録制: 先着順)

【 お 申 し 込 み 】 下記メールアドレスに、件名を「9月28日Webセミナー参加希望」と明記し、ご所属、お名前をご記入の上お申込み下さい。

e-mail : biosupport@filgen.jp

【 備 考 】 ご参加の際にはヘッドフォン・マイクとインターネットに接続されたPCが必要となります。マイクがなくても、チャット形式で質問することが可能です。当日ご参加いただけない場合、録画視聴サイトをご案内いたします。録画視聴をご希望の方も、biosupport@filgen.jpへお申し込みください。