

2018. 12. 4. (火) 16:00~17:00 参加費無料

NGSデータ解析入門Webセミナー： 変異解析編

【セミナー内容】

次世代シーケンサーを利用し、SNPなどのゲノム配列上の変異の検出を行うには、複数のデータ解析ステップを経て実行する必要があります。

本WEBセミナーでは、弊社より販売を行っているCLC bio（キアゲン社）の次世代シーケンサーデータ解析ソフトウェアCLC Genomics Workbenchを使用し、シーケンサー出力の配列データを用いた参照ゲノム配列へのマッピングや変異の検出などの手順を、デモンストレーションも交えてご紹介いたします。ぜひ皆様のご参加をお待ちしております。



【 演 題 】 NGSデータ解析入門セミナー：変異解析編

【 日 時 】 2018年 12月 4日 (火) 16:00 ~ 17:00

【 プ ロ グ ラ ム 】 16:00~16:50: セミナー

16:50~17:00: 質疑応答

【 演 者 】 フィルジェン株式会社 バイオインフォマティクス部 小澤拓也

【 定 員 】 20名 (事前登録制: 先着順)

【 お 申 し 込 み 】 下記メールアドレスに、件名を「12月4日Webセミナー参加希望」と明記し、ご所属、お名前をご記入の上お申込み下さい。

e-mail: biosupport@filgen.jp

【 備 考 】 ご参加の際にはヘッドホン・マイクとインターネットに接続されたPCが必要となります。マイクがなくても、チャット形式で質問することが可能です。当日ご参加いただけない場合、録画視聴サイトをご案内いたします。録画視聴をご希望の方も、biosupport@filgen.jpへお申し込みください。