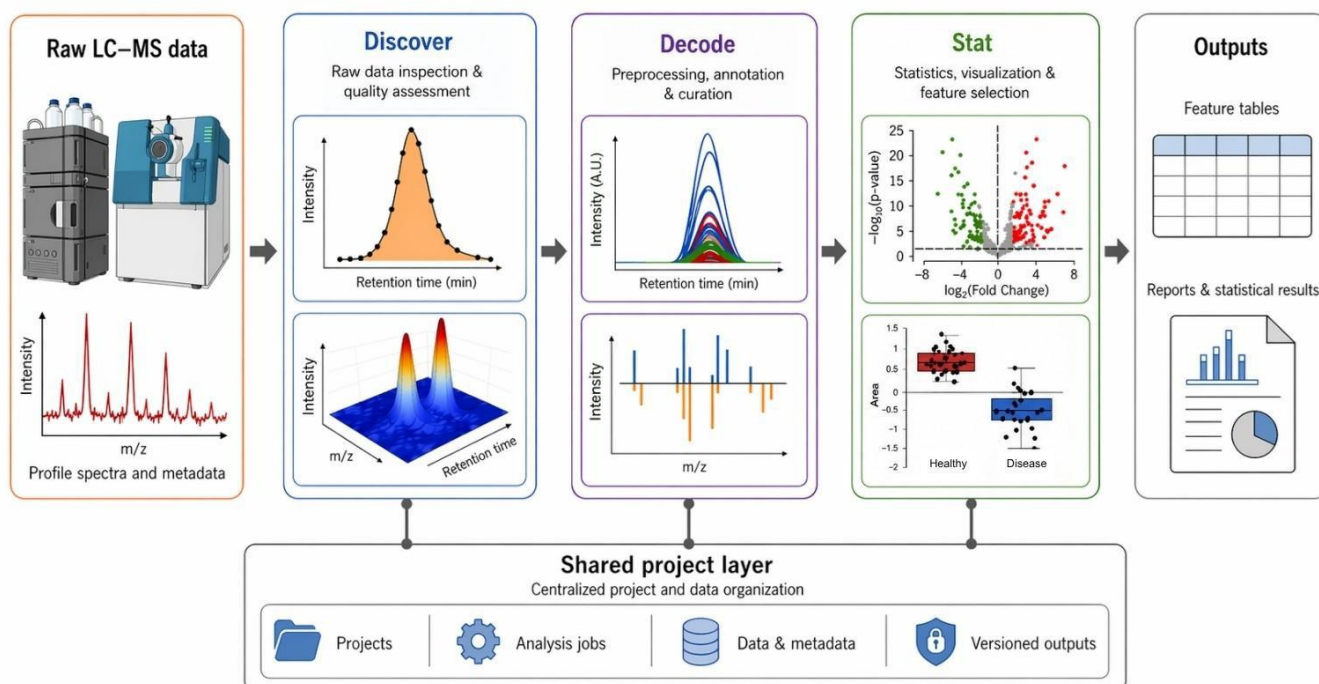
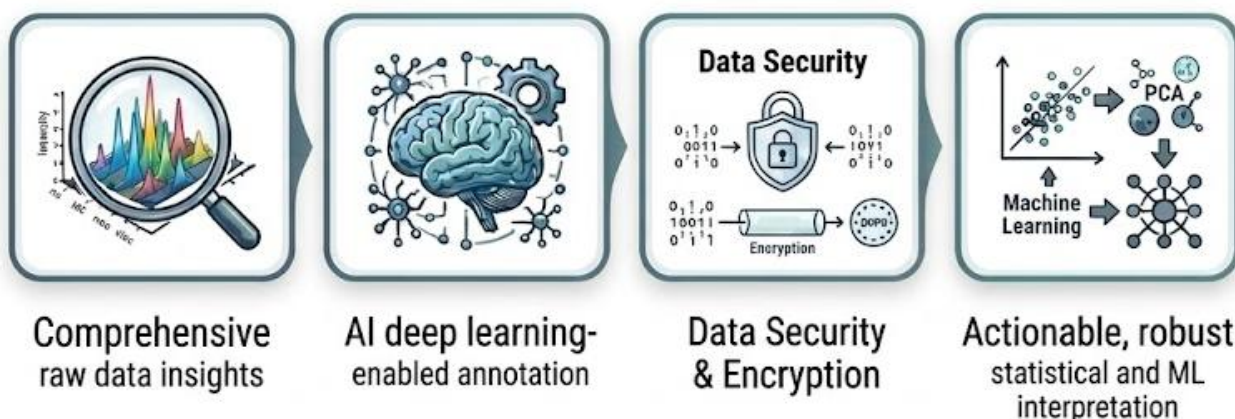


Emzing

LC-MS data analysis platform

Deep learning processing
with integrated statistical analysis

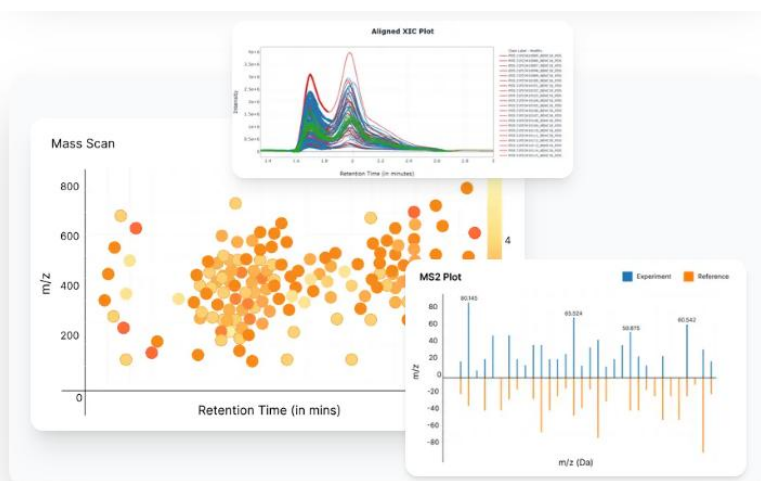
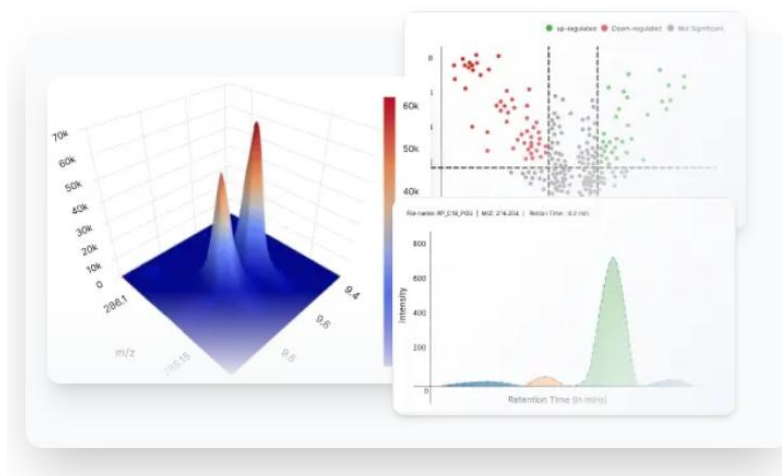
Emzingは、質量分析ベースのメタボロミクスデータの包括的な解析を行うための、ベンダーニュートラルな統合型ソフトウェアプラットフォームです。本プラットフォームは、生データの品質評価、特徴量抽出、代謝物のアノテーションから、統計解析、生物学的解釈に至るまでの一連のワークフローを、単一の標準化された環境でサポートします。AI/ML（人工知能／機械学習）を活用したデータ処理を採用しており、最小限のパラメータ設定でデータの自動解析を行い、精度の高い結果を提供します。



Emzingはモジュール式のコンポーネントで構成されており、データや結果の完全なトレーサビリティを維持しつつ、ユーザーを分析の各段階へとスムーズに導きます。これらのモジュールを組み合わせることで、ユーザーは生のLC-MSデータから生物学的に有意義な知見へと体系的に解析を進めることができます。同時に、研究デザインや用途に合わせて解析手法を柔軟に調整することも可能です。

Emzing Discover

Emzing Discoverは、Emzingプラットフォームに組み込まれたインタラクティブなデータ可視化モジュールであり、LC-MSの生データの探索および予備解析を可能にします。本モジュールでは、質量スキャンデータに表形式でアクセスし、個々のマススペクトルを選択して可視化することができます。また、指定した m/z および保持時間の範囲におけるLC-MSデータの3次元可視化にも対応しており、ピーク形状、強度分布、およびクロマトグラフィー挙動の詳細な確認が可能です。

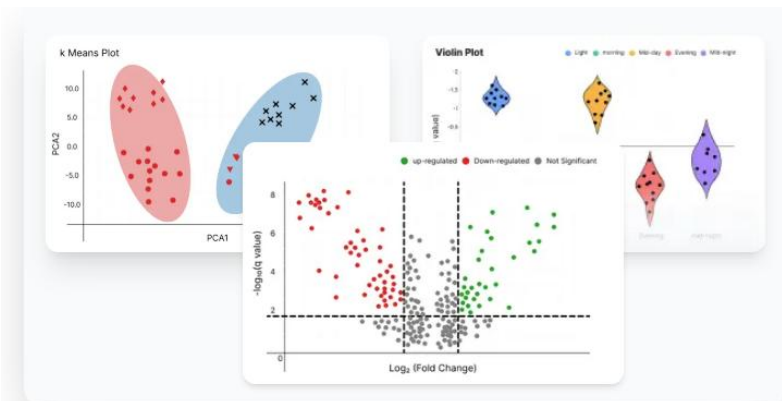


Emzing Decode

Emzing Decodeは、Emzingの主要な処理エンジンです。本モジュールは、AI/MLモデルを用いて、セントロイド化、ピーク抽出、およびピークアライメントを行います。さらに、特徴量のタグ付けや、スペクトルマッチングによる代謝物の同定（アノテーション）も実行します。

Emzing Stat

Emzing Statモジュールは、オミクスデータセットから得られた表形式データに対し、適切な統計解析を行うための機能を提供します。統計解析に向けたデータの前処理として、フィルタリング、欠損値補完、ブランク値の差し引き、正規化、変換、スケーリングといったオプションが用意されています。



Filgen  **フィルジェン株式会社**
biosciences & nonosciences

【お問い合わせ】 バイオインフォマティクス部

TEL : 052-624-4388 E-mail : support@filgen.jp

URL : <https://filgen.jp/>

代理店