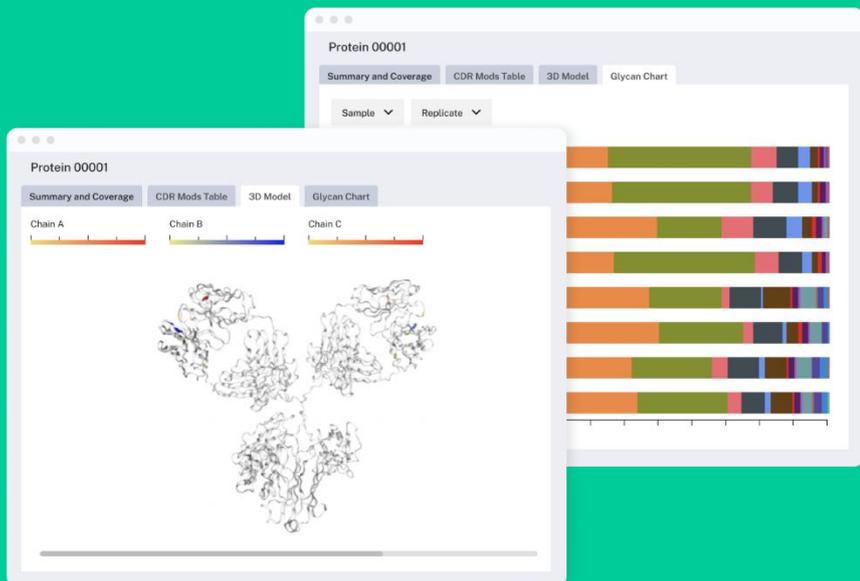


# Accelerate Biopharmaceutical Characterization & Quantification

プロテインメトリクスは、バイオ医薬品の開発プロセス全体にわたる包括的なタンパク質およびオリゴヌクレオチド分析のための、ベンダーニュートラルな質量分析ソフトウェアを提供します。



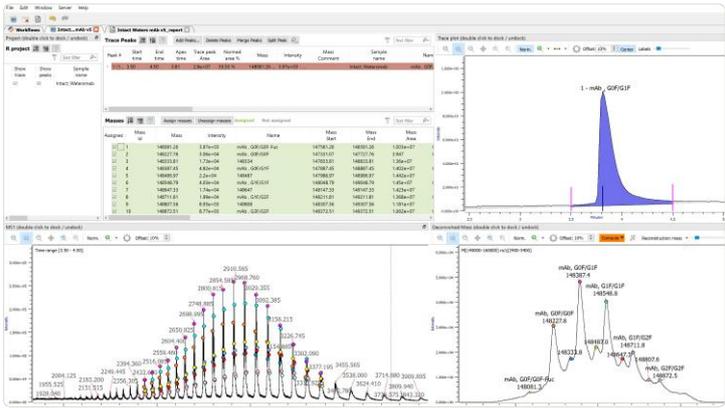
## バイオ医薬品特性解析ソフトウェア

# Byos

### 質量分析によるバイオ医薬品の特性評価

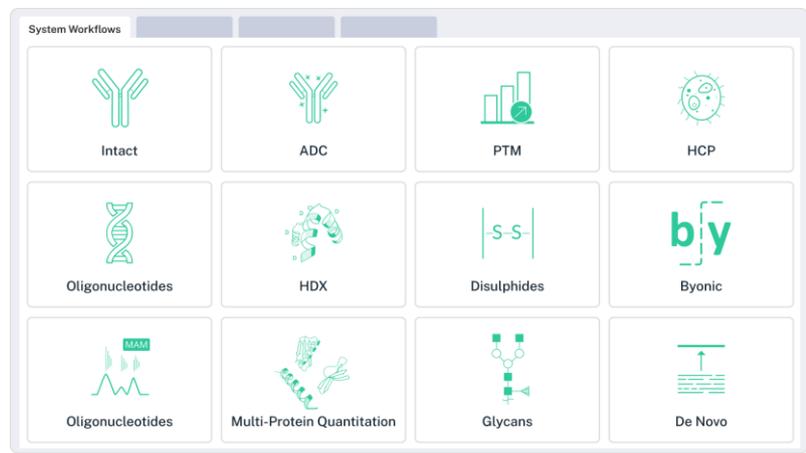
Byosは、バイオ医薬品開発における特性評価を効率的に実行するためのソフトウェアです。Thermo Fisher Scientific、SCIEX、BRUKER、Waters、Agilent、島津製作所の質量分析装置から出力されるデータに対応し、生データの読み込みからレポート出力までを自動で実行するワークフローが標準搭載されているため、マウスクリックによる簡単な操作で各種解析を実行することができます。

- インタクト解析：インタクトタンパク質のデコンボリューション、薬物抗体比（DAR）の自動計算
- ペプチド解析：糖ペプチド、脱アミドの定量比較、MAM、HCP、ジスルフィド結合の検出など
- クロマトグラム解析：遊離糖鎖の定量・構造解析、UV、TICへのペプチド情報付与
- オリゴヌクレオチド解析：mRNAなどの構造解析、MS2による構造解析・不純物分析



## 特性解析用ワークフロー

Byosには、ペプチドマッピングやインタクトタンパク質、抗体薬物複合体（ADC）、遊離糖鎖、核酸医薬などのバイオ医薬品特性解析用のワークフローが標準で搭載されています。これらのワークフローを実行すると、自動で解析結果のテーブルやグラフなどをまとめたプロジェクトデータとレポートが作成されます。これらデータはPDFなどの形式でファイル出力することができ、研究者間でデータを共有する場合に役立ちます。



## Byosワークフロー例



### Intact, Sub-unit, and Native Analysis

- Ligand binding
- Protein-protein interaction
- Protein and subunit ID
- Glyco-profiling
- ADC and DAR analysis
- Charge Variants by iCIEF-MS and CE-MS



### Peptide-level Analysis

- Hotspot analysis
- Peptide mapping
- PTM analysis
- HCP analysis
- Sequence variant analysis
- Epitope mapping



### Multi-Protein Quantitation

- Label-free, relative quantification of complex proteins
- Proteome profiling and full protein characterization
- Rapid sample prep and MS quality check



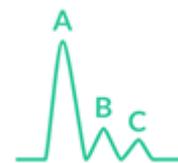
### Oligos

- Oligonucleotide workflows
- Impurities and clips
- Sequence confirmation for known oligos



### De Novo Sequencing

- Hands-free, automated sequencing of purified monoclonal antibodies



### Chromatogram

- MAM workflows
- CE-UV data; SEC-UV, LC-UV & other chromatographic workflows
- Import of 2D trace data

**Filgen**  **フィルジェン株式会社**

【お問い合わせ】 バイオインフォマティクス部

TEL : 052-624-4388 E-mail : support@filgen.jp

URL : <https://filgen.jp/>

代理店