

臨床ゲノム情報解析 ハンズオントレーニング

★2019年2月14日（木）、15日（金）

下記日程において、Golden Helix社ソフトウェア「SNP & Variation Suite」と「VarSeq®」を用いた臨床ゲノム情報解析のハンズオントレーニングを開催いたします。マイクロアレイや次世代シーケンサーを用いた疾患ゲノム研究や、個別化医療におけるバイオインフォマティクス解析などにご興味がある方はぜひご参加ください。参加ご希望の方は、下記メールアドレスに参加希望日を明記の上、お申込み下さい。なお参加の際は、ご自身のノートパソコンをご持参ください。ぜひ皆様のご参加をお待ちしております。

【演題】SNP & Variation Suite ハンズオントレーニング【GWAS編】

【日時】2019年2月14日（木）13:00 - 17:00

【内容】

ゲノムワイド関連解析（GWAS）研究における、SNPマイクロアレイのジェノタイプングデータを用いたクオリティチェックや統計解析、さらにデータのビジュアライゼーションなどについて、実際にデータを解析しながら学習します。

【演題】VarSeq® ハンズオントレーニング【クリニカルシーケンス編】

【日時】2019年2月15日（金）13:00 - 17:00

【内容】

がん・遺伝性疾患それぞれのサンプルセットのNGS変異データを用いて、体細胞変異の抽出やトリオ解析、疾患情報データベースなどのアノテーション付加とフィルタリング、さらに変異データのレポート作成などについて、実際にデータを解析しながら学習します。

【場所】フィルジェン株式会社

アクセス：<https://filgen.jp/map/Map.htm>

【定員】各日程 8名（事前登録制：先着順）

【費用】無料

【備考】参加の際には、ノートPCが必要になります

【お申し込み先】下記メールアドレスに、ご希望の参加日程、およびご所属とお名前をメール本文にご記入のうえ、お申込み下さい。

e-mail：biosupport@filgen.jp

*開催の数日前までに、ソフトウェアのデモ用ライセンスとインストール手順をお送りします。
予めソフトウェアのインストールとライセンス認証をお済ませください。

