

Golden Helix社 遺伝統計解析ソフトウェア



SNP & VARIATION SUITE

初回購入ライセンス限定

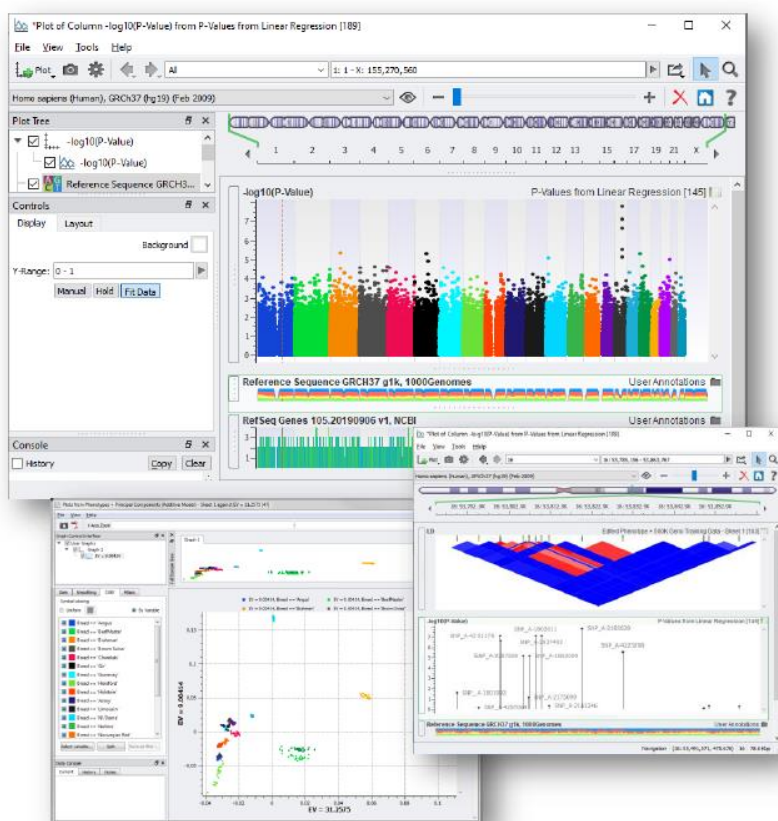
30% OFF !!

キャンペーン期間：2021年12月24日ご注文分まで

Golden Helix社の遺伝統計解析ソフトウェア「**SNP & Variation Suite(SVS)**」について、初回購入ライセンスに限り、通常価格の**30% OFF**で販売いたします！！

ライセンスタイプ	通常価格（税別）	特別価格（税別）	型式
シングルユーザーライセンス (アカデミック・ガバメントユーザー向け)	¥1,030,000	¥721,000	GH-SVS-AF
シングルユーザーライセンス (コマーシャルユーザー向け)	¥2,054,000	¥1,437,800	GH-SVS-CF

※ 本ソフトウェアは年間ライセンスです。次年以降は、別途ライセンス更新費用が発生します。
※ サーバーライセンスの価格については、お問い合わせください。



- ゲノムワイド関連解析 (GWAS)
- 連鎖不平衡/ハプロタイプ解析
- 線形混合モデル解析
- ゲノミック予測 (Genomic Prediction)
- インピュテーション
- メタアナリシス

- NGS レアバリエント関連解析
- バリエントアノテーション・フィルタリング
- RNA-Seq解析
- CNVマイクロレイデータ解析

SNP & Variation Suiteとは

Golden Helix社SNP & Variation Suite (SVS) は、次世代シーケンサーやSNP/CNVマイクロアレイ解析より出力された膨大な遺伝子変異データや表現型データを管理・分析・可視化することを目的に開発された、遺伝統計解析用の統合解析ソフトウェアです。

ゲノムワイド関連解析 (GWAS) などの遺伝統計学に必要な統計解析機能を多数搭載し、また多種多様なデータベースの管理ツールも内蔵しています。そのため、これらを統合的に利用したデータ解析が可能で、これにより膨大なデータから生物学的に重要なデータを効率よく見つけることができます。

■ ゲノムワイド関連解析 (GWAS)

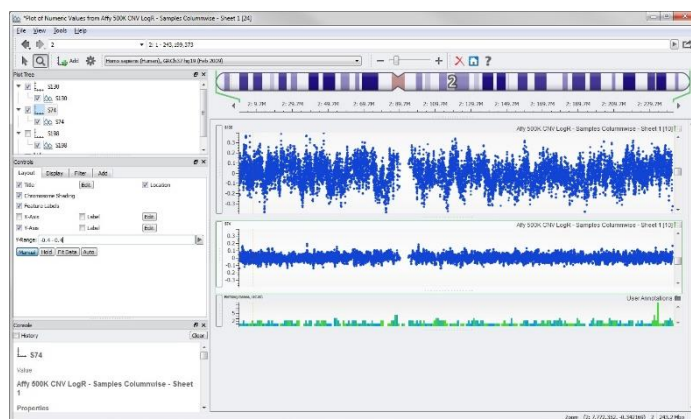
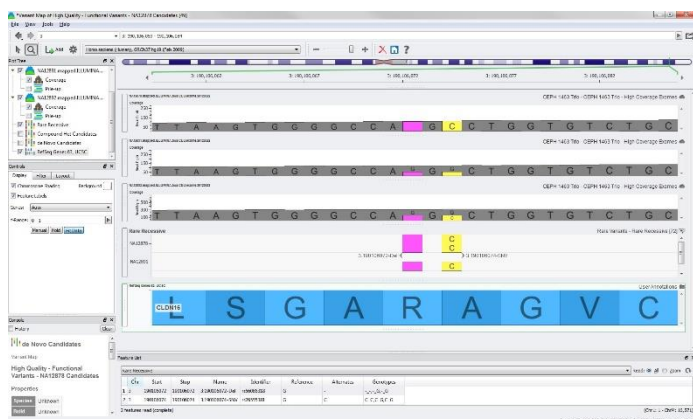
- ✓ 強力な統計解析や遺伝モデル、多重補正などの各手法をサポート
- ✓ SNP call rateやハーディー・ワインベルグ平衡など、ジェノタイプデータの品質チェックツールを搭載
- ✓ Principal component analysis (PCA)を利用したデータの補正
- ✓ 回帰分析や線形混合モデルもサポート
- ✓ GBLUP法などによる、表現型のゲノミック予測と、ゲノム育種価の計算

■ DNA-Seq解析

- ✓ VCFファイル、BAMファイルのインポート
- ✓ ClinVar, dbSNP, gnomADなどのアノテーションリソースを利用したバリエーションの絞り込み
- ✓ トリオ解析によるde Novo Mutationや複合ヘテロ接合体の検出
- ✓ CMC法やKBAC法、SKAT-O法などによるレアバリエーション関連解析

■ CNV解析

- ✓ CNVマイクロアレイによる、CNVの検出および表現型との関連解析



ライセンスの種類

SNP & Variation Suite (SVS) では、ソフトウェアを使用するユーザー数やコンピュータの種類などにあわせて、様々なライセンスを用意しています。

シングルユーザーライセンス	1ユーザーが1台のコンピュータで使用する場合のライセンスです。
サーバーライセンス	1台のサーバーコンピュータにインストールし、複数のユーザーがサーバーにアクセスして使用するライセンスです。また、ジェノタイプデータのインプティション機能が利用可能です。

フィルジェン 株式会社



【お問い合わせ】 バイオインフォマティクス部

TEL : 052-624-4388 FAX : 052-624-4389

E-mail : biosupport@filgen.jp URL : <https://filgen.jp/>

代理店