

# GlycoRNA Array 受託解析サービス

本解析では、glycoRNAの生化学的捕捉方法とマイクロアレイによるRNA検出を組み合わせ、高い特異性、感度、精度でglycoRNA発現を定量およびプロファイリングします。GlycoRNAアレイは、Y-RNA/Y-RNAフラグメント、tRNA、tsRNA (tiRNAおよびtRF)、pre-miRNA、miRNA、snRNA/snRNAフラグメント、snoRNA/snoRNAフラグメント、rRNA/rRNAフラグメント、scRNAなど、幅広いグリコシル化RNAクラスをカバーしています。

## 本解析の特長

- ✓ 包括的なグリコシル化 RNA プロファイリング : GlycoRNA アレイは、Y-RNA / Y-RNA フラグメント、tRNA、tsRNA (tiRNA / tRF)、pre-miRNA、miRNA、snRNA / snRNAフラグメント、snoRNA / snoRNAフラグメント、rRNA / rRNAフラグメント、scRNA など、幅広い small RNA クラスを同時にカバー
- ✓ 感度と信頼性の向上 : glycoRNA 捕捉ステップにより、glycoRNA の検出シグナルが実際にグリコシル化 RNA に由来するものであることが保証されるため、偽陽性を低減。高感度なアレイシグナルと組み合わせることで、S/N 比が向上し、低存在量でも glycoRNA をより適切に検出。
- ✓ 新規 GlycoRNA の発見
- ✓ GlycoRNA アレイには、グリコシル化の既知または未知に関わらず、ゲノム内のすべての small RNA を搭載。

Arraystar Human GlycoRNA Array V1.0

アレイデザイン	<b>プローブ総数</b> : 7,646 <b>プローブ設計</b> : 5'-ヘアピンキャップと 3'-スパーサーを備えた small RNA 特異的配列 <b>アレイフォーマット</b> : 8 × 15 K	
プローブ結合部位	<b>miRNA / 5' tsRNA</b> : 3'-配列 <b>3' tsRNA / Y-RNA / snRNA / snoRNA / rRNA 由来の断片</b> : 完全長配列内の任意のセグメント <b>pre-miRNA</b> : pre-miRNA のループ領域 <b>tRNA</b> : 成熟 tRNA のアンチコドンループ配列 <b>Y-RNA / snoRNA / snRNA / rRNA</b> : RNA 全長における特異的配列	
プローブ特異性	small RNA 特異的	
Small RNAのカバレッジ	YsRNA (Y-RNA 由来 small RNA) : 10 snsRNA (snRNA 由来 small RNA) : 4 sdRNA (snoRNA 由来 small RNA) : 289 rRF (rRNA 由来 small RNA) : 210 miRNA : 2,627 tsRNA (tRNA 由来 small RNA) : 1,432	Pre-miRNA : 1,745 成熟 tRNA : 338 snoRNA : 955 Y-RNA : 4 snRNA : 27 rRNA : 5

## サンプル条件

**サンプルタイプ** : total RNA (small RNAを含む、サイズ < 200nt)  
**推奨量** : > 20 µg (最少量 > 10 µg)    **濃度** : > 20 ng/µL    **RIN値** : > 7.0  
**純度** : O.D.260/280 : 1.7~2.0, O.D.260/230 : > 1.8  
 ゲル電気泳動 : 18S および 28S rRNA のバンドが確認でき、28S および 18S rRNA のバンド比が 2:1 程度であること。

※ 弊社が提供する解析サービスは研究用途のみとなっており、医療・診断および食品や医薬品の製造・品質管理等への利用はできかねますこと、予めご了承ください。

**Filgen**  **フィルジェン株式会社**

【お問い合わせ】 受託解析部

TEL : 052-624-4388    E-mail : support@filgen.jp

URL : <https://filgen.jp/>

代理店