

Arraystar次世代シーケンス受託解析サービス

tRNA-Seq/ tRF&tiRNA-Seq/ MeDIP-Seq/ MeRIP-Seq

* 本サービスは、Arraystar社で実施します。本サービスに関する製品情報は、Arraystar社web siteより一部引用・変更しています。

Arraystar社の提供する、non-coding RNA (ncRNA)に焦点を当てた次世代シーケンス受託解析サービスです。Arraystar社は、次世代シーケンステクノロジーにより、tRNA、tRF・tiRNAの解析やLncRNAのプロモーター解析を行います。本サービスには、サンプルの品質管理(Quality control)からデータ解析までの作業が含まれています。

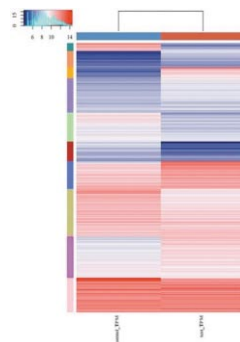
tRNA-Seq受託解析サービス

概要

tRNAは、多様な翻訳後修飾を受けますが、そのアミノアシル化末端及び内部修飾は、tRNA-Seqライブラリー調整時のアダプターライゲーション及び逆転写を阻害します。Arraystar社は、tRNA用に最適化した修飾除去及びsmall RNAシーケンシングを統合させることで、最先端のtRNA-Seq法を開発し、tRNA研究を支援します。

特長

- tRNAの末端及び内部修飾の効率的な除去によるtRNA-Seq精度の向上
- 最適化されたtRNAシーケンス法
- 信頼性の高いデータベースを基とした包括的なtRNAトランスクリプトームリファレンス
- tRNAアノテーション及びバイオインフォマティクス解析



サービス内容

[ワークフロー]

1. RNAのQCチェック
2. tRNAの前処理
3. ライブラリー作製及びQCチェック
4. illuminaプラットフォームによるシーケンス
5. データ出力及びバイオインフォマティクス解析
6. プロジェクトレポートの作成

tRF&tiRNA Seq受託解析サービス

概要

tRF及びtiRNAは、tRNAから産生され、small non-coding RNAとして様々な機能を有することから、多くの疾患と関連しています。また、tRF&tiRNAは、RNA干渉において、microRNAとして機能することが知られています。Arraystar社のtRF&tiRNAの次世代シーケンシングサービスは、この新しい分野の研究を支援します。

特長

- 最適化されたtRF&tiRNAシーケンス法
- 正確なアノテーション及び分類システム
- 様々なデータベースから収集したtRF&tiRNA情報
- tRF&tiRNAにフォーカスしたバイオインフォマティクス及び統計解析

SampleA vs SampleB 2 fold change UP-regulated tRFs										
tRF/tiRNA_Sequence	tRF/tiRNA_Type	Source_tRNA	tRF/tiRNA_Region	tRF/tiRNA_Length	tRF/tiRNA_ID	Counts(TPM)	SampleA	SampleB	FoldChange	q-value
GGGGGAGAGCAGCAGG	tRF-2	Ala-AGC-2-1	1-19	19	NA	926,492	425,832	0.46	0.0001	
GGGUAUAAUCCCCGGCCAUCCCA	tRF-3	Ala-AGC-2-1	30-73	23	3001c	126,492	526,492	4.16	0.000001	

SampleA vs SampleB 2 fold change DOWN-regulated tRFs									
tRF/tiRNA_Sequence	tRF/tiRNA_Type	Source_tRNA	tRF/tiRNA_Region	tRF/tiRNA_Length	tRF/tiRNA_ID	SampleA	SampleB	FoldChange	q-value
AGAGGGGAGGUAAGCAUAGCAGAGAGGCGCCCG	tRF	Ala-AGC-2-1	21-51	30	NA	926,492	425,832	0.46	0.0001
GGGGGAGAGCAGCAGG	tRF-2	Ala-AGC-2-1	1-19	19	5002c	126,492	526,492	4.16	0.000001

サービス内容

[ワークフロー]

1. RNAのQCチェック
2. ライブラリー作製及びQCチェック
3. illuminaプラットフォームによるシーケンス
4. データ出力及びバイオインフォマティクス解析
5. プロジェクトレポートの作成

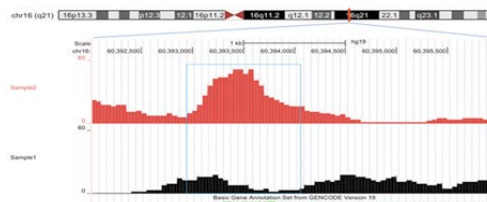
(h)MeDIP-Seq with LncRNA Promoter受託解析サービス

概要

LncRNAの転写は、タンパク質コード遺伝子の転写よりも、高度に細胞、組織又は疾患特異的な様式で、厳密に制御されています。LncRNA発現の崩壊及び上流の調節メカニズムの背景を理解することは、LncRNA研究の鍵となります。Arraystar社は、mRNA及びLncRNAのプロモーターにおける5mC又は5hmC修飾の解析を行います。

特長

- MeDIP-seq及びLncRNAプロモーターの解析
- タンパク質コードmRNA遺伝子プロモーター解析
- 最適化された(h)MeDIP法



サービス内容

[ワークフロー]

1. ゲノムDNAのQCチェック
2. DNAの断片化
3. (h)MeDIPによる(ヒドロキシ)メチル化DNAの濃縮
4. ライブラリー作製及びQCチェック
5. illuminaプラットフォームによるシーケンス
6. データ出力及びバイオインフォマティクス解析
7. プロジェクトレポートの作成

* 本サービスは、Arraystar社で実施します。本サービスに関する製品情報は、Arraystar社web siteより一部引用・改変しています。

MeRIP-Seq受託解析サービス

概要

Arraystarのm6A-seqは、メチル化RNA免疫沈降シーケンシング (MeRIP-seq) により、卓越したエピトランスクリプトミク的なm6A修飾をプロファイルします。

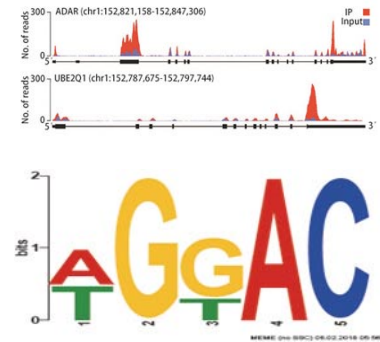
特長

- ・優れた専門技術: 長年のDNA/RNA修飾プロファイリングの経験とスキル
- ・際限のない範囲: あらゆるトランスクリプト領域のm6Aメチレーションをカバー
- ・高解像度: m6A部位の100塩基以内の正確なピークポジショニング
- ・厳格なQC: MeRIP-PCR法で確認された高いMeRIP効率

サービス内容

[ワークフロー]

1. RNAのQCチェック
2. mRNAの単離及び断片化
3. 抗-N6-methyladenosine (m6A)抗体によるm6A免疫沈降
4. qPCRによるIP効率のQC
5. ライブラリー調整
6. Illuminaプラットフォームによるシーケンス
7. データ出力及びバイオインフォマティクス解析
8. プロジェクトレポートの作成



納品物

- サンプルQCレポート
- シーケンスデータ
- バイオインフォマティクス解析データ
- プロジェクトレポート

* 納品物はプロジェクトに依存して変更される場合があります。予めご了承ください。

Go Beyond RNA: Arraystarは革新的製品によってncRNA研究をサポートします

Arraystarは、21世紀の生物医学研究の魅力的かつ挑戦的となっている調節的non-coding RNA (ncRNA)研究に従事している生物医学研究者を支援します。これらnon-coding RNAには、lncRNA、circular RNA、microRNA、tRNA、tRF、tiRNA、snoRNAなどがあります。ArraystarのncRNA研究領域における革新的製品、深い実験の専門知識及び強力なバイオインフォマティクスは、2009年から数百もの論文を支援してきました。

新規クラスのnon-coding RNA及びそれらのタンパク質コード転写物を越えた調節的機能の発見により、RNA生物学分野の研究者は、セントラルドグマの中心であるメッセンジャーRNAを超えた範囲も視野に入れる必要があります。新規ncRNAの重要な役割を解明する研究は、新たな疾患調節因子、新規バイオマーカー、及び治療標的を発見する魅力的な機会によって、科学的興味を引いています。遺伝子発現解析の企業が依然としてmRNAのみを対象としているのに対し、Arraystarは新しい道を取っています。

Arraystarは、non-coding RNA領域をリードし、この刺激的でかつてない程に進化しているncRNAフロンティアにおける探求を支援し続けます。Arraystarは、その努力が生命科学の進歩を加速し、画期的な生物医学的発見の新たな扉を開くことを心より願っています。

Price

サービス名	対応生物種	サンプル数	税別価格	カタログ#
tRNA-Seq受託解析サービス	Human/ Mouse/ Rat	2以上	お問い合わせ	F-AS-tRNAseq- (サンプル数)
tRF&tiRNA-Seq受託解析サービス	Human/ Mouse/ Rat	2以上	お問い合わせ	F-AS-tRF_tiRNAseq- (サンプル数)
MeDIP-Seq with lncRNA Promoter受託解析サービス	Human/ Mouse/ Rat	2以上	お問い合わせ	F-AS-MeDIP- (サンプル数)
hMeDIP-Seq with lncRNA Promoter受託解析サービス	Human/ Mouse/ Rat	2以上	お問い合わせ	F-AS-hMeDIP- (サンプル数)
MeRIP-Seq受託解析サービス	Human/ Mouse/ Rat	2以上	お問い合わせ	F-AS-MeRIP- (サンプル数)

* 掲載されている内容は、予告なく変更される場合がありますこと、予めご了承ください。