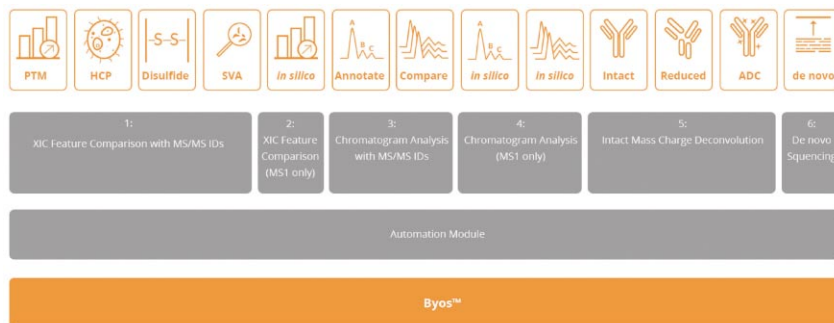


## Byos™ (バイオ医薬品特性解析ソフトウェア)



Byos™は、バイオ医薬品開発における特性解析をシームレスに実行するためのワークフローを実行するソフトウェアです。Protein Metrics社Byonic™, Byologic®, Byomap™, Intact Mass™, Supernovo™ソフトウェアと連携し、生データからレポートファイル作成までを自動で実行するワークフローが標準搭載されており、ワンクリックのマウス操作のみで、簡単に実行することが可能です。



## Byonic™ (修飾ペプチド、タンパク質同定用ソフトウェア)



Byonic™は、タンデムマスペクトルデータからペプチドやタンパク質を同定するソフトウェアです。タンパク質データベースに基づくスペクトルの理論値と実測値とを照合して、ターゲットとするペプチドを検索します。Byonic™ではUnimodに登録されている修飾を検索する以外にも、Unimodに未登録の修飾の検証やグリコペプチドの検索も可能です。Byonic™にはコンビニオンツールであるPreview™があります。Preview™はスペクトルデータのリキャリブレーションデータやByonic™ 検索用パラメーターを作成し、Byonic™ による解析効率の向上に貢献します。

### 特長

#### シンプルなインターフェイス:

質量分析データ (mzXMLファイルなど) とタンパク質データベース (FASTAファイル) を指定するだけで解析できます。

- mzXML • MGF
- mzML • Thermo RAW

ファイルフォーマットが上記と異なる場合、質量分析装置付属のソフトウェアまたはProteoWizard (<http://proteowizard.sourceforge.net>) によりご変換ください。

#### Modification Fine Control機能:

- Unimodに登録されている百数種類の修飾を検索できます。
- 検索する修飾をcommonとrareの2種類に分けることで、検索速度を向上させることが可能です。

#### Wildcard Search機能:

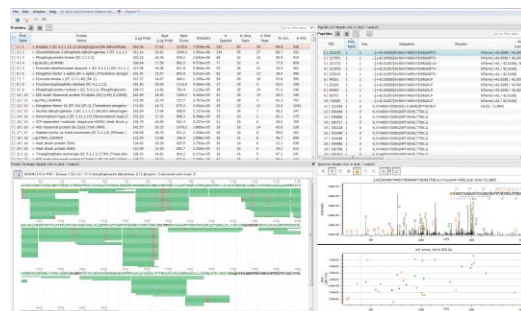
- 特定の修飾を指定せず、Unimodに登録されていないような未知の修飾を探索します。
- 設定した範囲内のmass deltaで修飾ペプチドを検証します (例: -50~+150 Da)。

#### Glycopeptide Search機能:

- グリコペプチドを検索することが可能です。
- N-結合型およびO-結合型の両方をサポートしています。

#### 専用のビューワーによる結果の閲覧およびエクセルデータの共有:

Byonic™には専用のビューワー (PMi-Byonic™-Viewer) が付属し、インタラクティブにデータを閲覧することが可能です。ビューワーでは同定されたタンパク質や、各ペプチドのアイメント、スペクトル、修飾情報を確認できます。解析完了時にはエクセルデータも同時に出力され、共同研究者と結果を共有することも可能です。



### Price

製品名	ライセンスタイプ	税別価格	カタログ#
Byonic™ (16 logical core)	アカデミック (年間ライセンス)	お問い合わせ	PM-BNC16-A
	コマーシャル (年間ライセンス)		PM-BYN16-C
Byonic™ (32 logical core)	アカデミック (年間ライセンス)		PM-BNC32-A
	コマーシャル (年間ライセンス)		PM-BYN32-C
Byonic™ (64 logical core)	アカデミック (年間ライセンス)		PM-BNC64-A
	コマーシャル (年間ライセンス)		PM-BYN64-C

\* 本ソフトウェアは年間ライセンスとなります。

\* テクニカルサポートは、電話、あるいは、電子メールのみでの対応となります。

\* Byonic™では、ライセンスによって、計算に使用できるCPUコア数 (ハイパースレッドを含む) の上限に違いがあります。