

次世代シーケンシング受託解析サービス Novogene

RNA-Seq解析

*本サービスはNovogene社で実施します。本サービスに関する製品情報は、Novogene社web siteより一部引用・変更しています。

受託解析サービス

● 次世代シーケンシング受託解析サービス-RNA-Seq解析

RNA-Seqでは、次世代シーケンシング技術によってmRNAを包括的かつ定量的に解析します。RNA-Seqはリード数を基に定量することから、極めて広範なレンジで遺伝子の発現解析を実行します。また、その高い解像度から、アイソフォームレベルの定量も可能としています。こうした発現解析の他にも、融合遺伝子や新規トランスクリプトの特定といった、探索的な解析にも利用されています。本サービスは真核生物用と原核生物用があり、前者ではoligo(dT) beadsの使用、後者ではrRNA除去によってmRNAを濃縮します。

サービスの仕様

使用機種	illumina HiSeq 4000
ライブラリー種類	Paired-end 150 bp
保証データ量	真核生物:3 Gb, 6 Gb, 9 Gb, 12 Gb 原核生物:1.2 Gb, 2.4 Gb
作業内容	QCチェック、mRNA濃縮、ライブラリー作製、 ¹⁾ シーケンシング、バイオインフォマティクス解析(オプション)
納品データ	HDD/USB (NTFSフォーマット) にて以下のデータを納品: ・シーケンシングデータ (.fastq) ・解析データ (.bam, .vcf, .gff, .xls, .txt) ・解析レポート (.pdf, .html) * CLC Genomics Workbench試用ライセンス付属 * 解析データおよびレポートは、バイオインフォマティクス解析をお申込みいただいた場合に納品
最低注文数	2サンプル
納期(標準)	約2ヶ月(バイオインフォマティクス解析付:約2.5ヶ月)

*本サービスは、海外での解析という性質上、キャンセルはお引き受け出来ません。やむを得ない理由でキャンセルする場合、それまでの工程に応じた料金をご請求します。QC結果やライブラリー作製等の問題でサンプルを再送する場合、別途送料をご請求します。

1) 通常はnon-directionalなライブラリー調製を行います。Strand-specificなライブラリーをご希望の場合には、お問い合わせください。

必要サンプル量

[真核生物用]

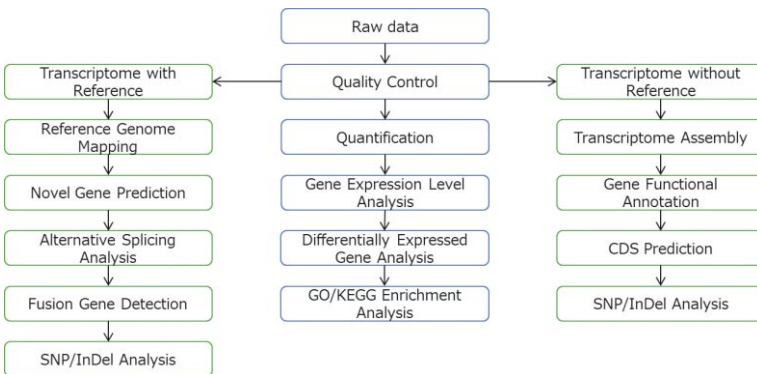
- ・ Total RNA: 1 μ g以上 (2 μ g以上を強く推奨)
- ・ 容量: 20 μ L以上
- ・ 濃度: 50 ng/ μ L以上
- ・ RIN: Animal (6.8以上); Plant and Fungus (6.3以上)
- ・ OD260/280: 1.7以上; OD260/230: 1.8以上
- ・ Buffer: RNase-free H₂O

[原核生物用]

- ・ Total RNA: 3 μ g以上 (6 μ g以上を強く推奨)
- ・ 容量: 20 μ L以上
- ・ 濃度: 50 ng/ μ L以上
- ・ RIN: 6.0以上 (smooth base line)
- ・ OD260/280: 1.7以上; OD260/230: 1.8以上
- ・ Buffer: RNase-free H₂O

- (1) 電気泳動を実施し、泳動写真を添付することを推奨します。
* 電気泳動は、次の条件で実施してください: 1.0% agarose gel; 0.5% TBE solution; 180V for 16 min.
- (2) DNase, RNaseフリーの1.5 mLまたは2 mLのチューブを使用してください(スクリュウキャップ式を推奨します)。
- (3) Total RNAは、RNase-free H₂Oに溶解し、-80°Cで保存してください。
- (4) DNase処理をおこなうことを強く推奨します。
- (5) UVスペクトルベースの濃度測定法では、RNA濃度が不正確になる場合がありますので、蛍光ベースの定量法でも確認することを強く推奨します。
* UVスペクトルベースで測定した場合、上記よりも多いRNAを準備してください。
- (6) サンプル送付先および注意実行につきましては、「受託解析サービスの流れ」を参照してください。

バイオインフォマティクス解析例



- ✓ マッピング
- ✓ 遺伝子発現解析
- ✓ 遺伝子発現差解析
- ✓ GO解析
- ✓ KEGGパスウェイ解析
- ✓ 新規遺伝子予測
- ✓ 融合遺伝子検出
- ✓ 変異解析

*一部解析では、2グループ以上や生物学的リプリケートが必要です。
*解析内容は変更される場合がありますこと、予めご了承ください。

Price

サービス内容	保証データ量	数量	税別価格	カタログ#	
真核生物					
RNA-Seq受託解析サービス	6 Gb (40 M reads)	2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE6- (サンプル数)	
		5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE6- (サンプル数)	
	12 Gb (80 M reads)	2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE12- (サンプル数)	
		5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE12- (サンプル数)	
	RNA-Seq受託解析サービス バイオインフォマティクス解析付	6 Gb (40 M reads)	2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE6D- (サンプル数)
			5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE6D- (サンプル数)
12 Gb (80 M reads)		2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE12D- (サンプル数)	
5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqE12D- (サンプル数)			
原核生物					
RNA-Seq受託解析サービス	1.2 Gb (8 M reads)	2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP1- (サンプル数)	
		5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP1- (サンプル数)	
	2.4 Gb (16 M reads)	2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP2- (サンプル数)	
		5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP2- (サンプル数)	
RNA-Seq受託解析サービス バイオインフォマティクス解析付	1.2 Gb (8 M reads)	2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP1D- (サンプル数)	
		5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP1D- (サンプル数)	
	2.4 Gb (16 M reads)	2-4サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP2D- (サンプル数)	
		5-9サンプル	お問い合わせ	F-Novo-RseqP2D- (サンプル数)	

* 真核生物用RNA-Seq受託解析サービスには、3 Gbおよび9 Gbもあります。これらについては、お問い合わせください。