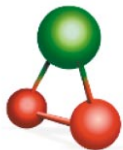


Qlucore Omics Explorer



Qlucore Omics Explorerは、DNAマイクロアレイ、miRNAマイクロアレイさらにRNA-Seqなどの遺伝子発現データの解析を強力にサポートするソフトウェアです。様々な統計解析用モジュールを搭載しており、さらに解析結果を様々なグラフ形式で表示させることによって、解析結果データをより視覚的に理解しやすいように表示させることが可能です。また各種アノテーション情報を取り込むことで、発現変動遺伝子群が生物学的にどのような機能をもっているのかを調べることも可能です。

デモ版ダウンロード

<http://www.qlucore.com/evaluation>

主要機能

● プロットグラフ作成

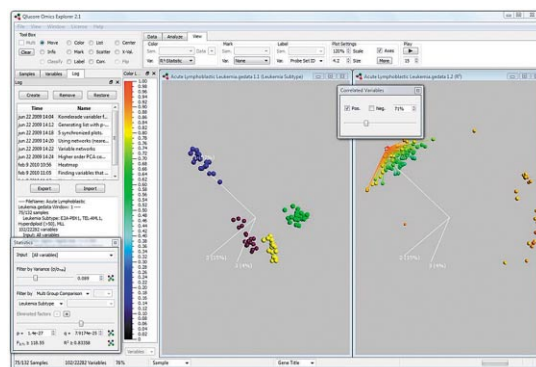
- Sample PCA
- Heat map
- Variable PCA
- Scatter

● 統計解析

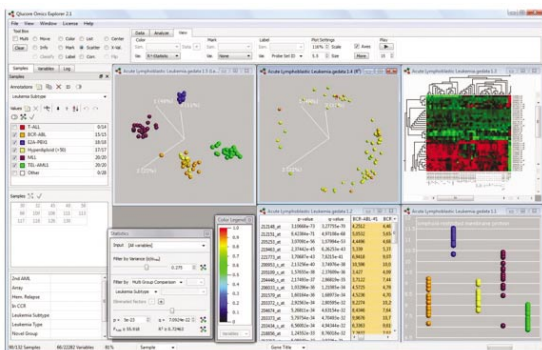
- Two group comparison (t-test)
- Multi group comparison (F-test)
- Linear regression
- Quadratic regression
- Rank regression
- Hierarchical clustering
- Isomap
- GSEA (Gene Set Enrichment Analysis)

● データの探索

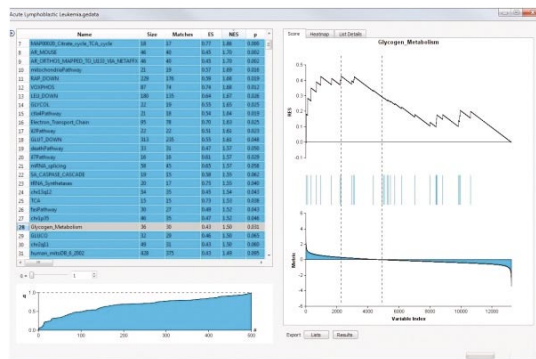
- グラフ上でのプロットデータへの着色
- GO (Gene Ontology) Browserによる、遺伝子機能情報の検索
- GEO (Gene Expression Omnibus) 公開データのダウンロードと解析
- RNA-SeqのAligned BAMファイルによる次世代シーケンス解析



【PCA Plot】



【各種データの統合表示】



【GSEA (Gene Set Enrichment Analysis)】

ファイルフォーマット

Qlucore Omics Explorerは、下記のデータファイルフォーマットをサポートします。また、データファイルに加えて、アノテーションファイルはテキストファイルとして、または、Affymetrix NetAffxダウンロードサービスから直接インポートすることができます。

- Aligned BAM files (RNA-seq)
- Affymetrix CEL files (*.cel)
- Affymetrix Probe Set Files (*.chp)
- Agilent text files (*.txt)
- Agilent Gene View files (*.txt)
- Qlucore Data files (*.gedata)
- Simple Data files (*.txt)
- BioArray Software Environment files (*.base)
- Geo Data Sets (*.soft and *.soft.gz)
- Geo Series Matrix (*.txt and *.txt.gz)

.txt.gz →

.chp →

.txt →

gedata →

.cel →

.soft.gz →



Price

製品名	ライセンスタイプ	税別価格	カタログ#
Qlucore Omics Explorer	年間ライセンス (アカデミック) 1)	¥387,000	F-QOE-A
	年間ライセンス (コマーシャル) 1)	¥1,437,000	F-QOE-C

1) 本ソフトウェアは、年間ライセンスです。2年目以降使用する場合は、再度年間ライセンスを購入していただく必要があります。またテクニカルサポートは、電話または、電子メールで対応いたします。

* 本ソフトウェアはWindows、およびMacで使用できます。