

# 次世代シーケンシング受託解析サービス PacBioロングリード解析

\* 本サービスは海外受託業務提携先にて実施します。

受託解析サービス

● 次世代シーケンシング受託解析サービス-PacBioロングリード解析

## 一分子シーケンサーPacBioシステムの新型装置Sequel Systemでのサービスを開始しました!!

SMRTテクノロジーを用いるPacBio RSII/Sequel Systemは、GC含有量に関わらず幅広いゲノム領域で均一なシーケンスが得られます。また、これまでのPacBio RSIIと比べてスループットが6~7倍に増加したSequel Systemでは、バクテリアだけでなく、動植物などゲノムサイズの大きな生物にも、迅速かつ高いコストパフォーマンスでのde novoアセンブリ解析が可能となりました。

### サービスの仕様

使用機種	PacBio RS II/Sequel System
取得データ量(目安)	PacBio RSII: 500-800 Mb/ SMRT cell Sequel: 4-6 Gb/SMRT cell
作業内容	QCチェック、ライブラリー作製、シーケンス、 パイオインフォマティクス解析(オプション)
納品物 1), 2)	・シーケンスデータ(.fastq, bas.H5) ・解析データ(.xls, .fasta) (有償オプション)
最低注文数	1サンプル
納期(標準) 3)	約2ヶ月

- 1) 納品形態は、USB/HDD等の記録メディアとなります(NTFSフォーマット)。  
2) プロジェクトによっては、納品物に変更される場合があります。  
3) QC合格後となります。

\* 本サービスは、海外での解析という性質上、キャンセルはお引き受け出来ません。やむを得ない理由でキャンセルする場合、それまでの工程に応じた料金をご請求します。QC結果やライブラリー作製等の問題でサンプルを再送する場合、別途送料をご請求します。

NEW



Sequel™ System

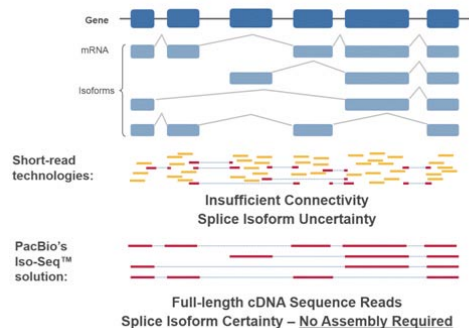
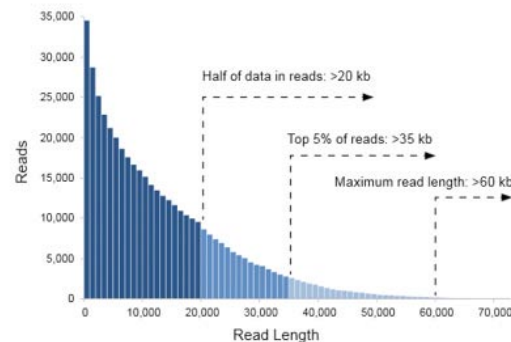


PacBio® RSII

1 SMRT cellあたりのZMWの数が約100万に増加したSequel Systemでは、PacBioの6-7倍のリードを出力することで、より短期間で大規模なデータ取得が可能となりました。

### Sequel System

- ✓ 平均10 kbの超ロングリードシーケンス
- ✓ 正確なコンセンサス配列
- ✓ GC含有量によらない均一なカバレッジ
- ✓ PCR増幅が不要
- ✓ パイオインフォマティクス解析の実施(アセンブル、遺伝子予測、アノテーション)



### Isoform Sequencing (Iso-Seq)

- ✓ cDNAの全長をシーケンス(アセンブル不要)
- ✓ 新規転写物および遺伝子の発見
- ✓ 融合遺伝子の同定
- ✓ 選択的ポリアデニル化の解明
- ✓ 維持されているイントロンの同定
- ✓ アンチセンス転写物の探索

### Price

サービス内容	税別価格	カタログ#
PacBio RS II シーケンス	お問い合わせ	お問い合わせ
Sequel シーケンス	お問い合わせ	お問い合わせ
Isoform Sequencing (Iso-Seq)	お問い合わせ	お問い合わせ

\* 掲載されている内容は、予告なく変更される場合がありますこと、予めご了承ください。