

# 次世代シーケンシング受託解析サービス Novogene

## 微生物ゲノムアンプリコン解析

\*本サービスはNovogene社で実施します。本サービスに関する製品情報は、Novogene社web siteより一部引用・変更しています。

本サービスでは、細菌・真菌等で良く保存されている遺伝子又は遺伝子間領域（細菌の16S rRNA、真菌のITSなど）にある短い超可変領域をPCR法により増幅し、それを次世代シーケンスします。得られたシーケンスを微生物データベースと照合し、サンプル中に含まれる微生物を同定します。

### サービスの仕様

シーケンス条件	illumina HiSeq2500, PE250
保証データ量 <sup>1)</sup>	60,000 raw reads/sample
作業内容	品質(QC)チェック、アンプリコン増幅、ライブラリー作製、シーケンス、バイオフィーマティクス解析
納品物 <sup>2), 3)</sup>	QCLレポート シーケンスデータ(FASTQ形式) バイオフィーマティクス解析データ プロジェクトレポート
最低注文数	10サンプル
納期(標準) <sup>4)</sup>	約2ヶ月

- 1) QCに合格したサンプルが保証対象となります。
  - 2) 納品形態は、USB/HDD等の記録メディアとなります(NTFSフォーマット)。
  - 3) プロジェクトによっては、納品物に変更される場合があります。
  - 4) QC合格後となります。
- \*本サービスは海外提携先での解析という性質上、キャンセルはお引き受けできません。やむを得ない理由でキャンセルされる場合、それまでの工程に応じた料金を請求します。QC結果、ライブラリー作製等の問題でサンプルを再送される場合、別途送料を請求します。

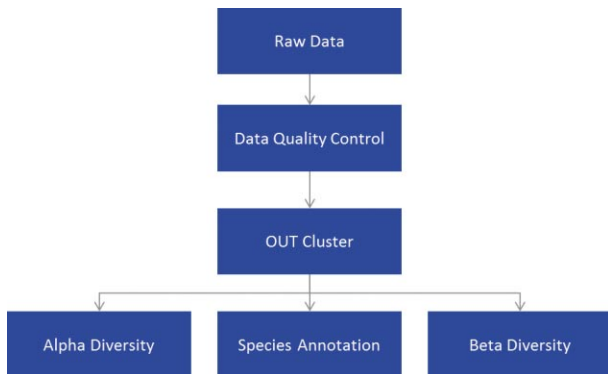
### サンプル条件

サンプルタイプ	ゲノムDNA
量(Qubit®)	≧1 µg (推奨量: ≧2 µg)
濃度	≧50 ng/µL
液量	≧20 µL
純度	OD <sub>260/280</sub> : 1.8-2.0
Buffer	TE buffer又はddH <sub>2</sub> O

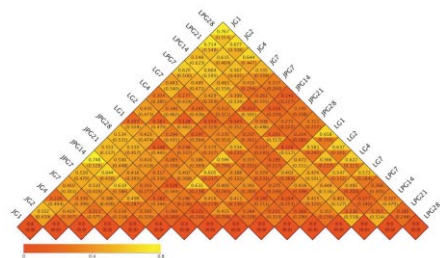
1. 電気泳動写真を添付してください。  
\* 推奨泳動条件: 1.0% agarose gel; 1.0% TAE solution; 100V for 40 min.
2. RNase処理を行い、DNAが分解されていないことを確認してください。
3. DNase, RNaseフリーの1.5 mL又は2 mLのチューブを使用してください(スクリュウキャップ式を推奨します)。
4. ゲノムDNAは、凍結融解をできる限り避け、4°CでTE Bufferにて保存してください。  
\* 長期保存の場合は、-20°C又は-80°Cで保存してください。
5. UVスペクトルベースの濃度測定法では、DNA濃度が不正確になる場合がありますので、蛍光ベースの定量法でも確認することを強く推奨します。  
\* UVスペクトルベースで測定した場合、上記よりも多いゲノムDNAを準備してください。
6. サンプル送付先及び注意事項については、「受託解析サービスの流れ」を参照してください。
7. サンプルの最終的な品質は、業務提携先でのQCチェックの結果に従いますこと、予めご了承ください。
8. アンプリコンをご提供いただく場合、お問い合わせください。

### バイオフィーマティクス解析例(有償オプション)

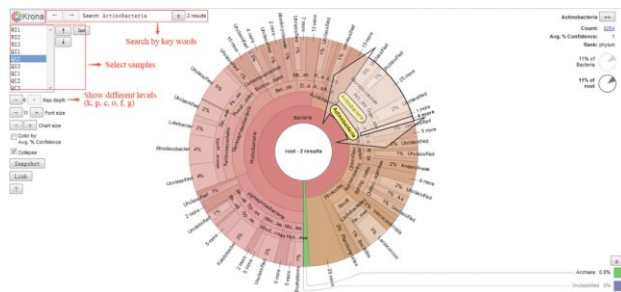
バイオフィーマティクス解析では、OTU解析、 $\alpha/\beta$ 多様性解析、PCA解析など多数の解析が実施されます。



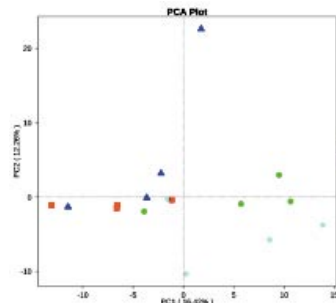
解析ワークフロー



B多様性のヒートマップ



Krona表示



PCA

\* 解析データの一部を掲載しています。

### Price

サービス名	保証データ量/サンプル	サンプル量	税別価格	カタログ#
微生物ゲノムアンプリコン受託解析サービス バイオフィーマティクス解析付	60,000 raw reads/sample	10サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-AS3-(サンプル数)

\* 掲載されている内容は、予告なく変更される場合がありますこと、予めご了承ください。