

次世代シーケンシング受託解析サービス Novogene

RNA-Seq解析

2018オータムキャンペーン

※詳細は弊社web siteをご覧ください。

*本サービスはNovogene社で実施します。本サービスに関する製品情報は、Novogene社web siteより一部引用・変更しています。

RNA-Seqは、細胞内に含まれるmRNA分子を網羅的かつ定量的に解析します。転写産物のリード数から遺伝子発現量を定量化し、同時にその配列情報から、新規転写産物や、選択的スプライシングや融合遺伝子の検出を行う技術です。Novogene社のRNA-Seq受託解析サービスは、安価な価格と充実したバイオフィーマティクス解析が特徴です。解析対象となる生物種からご希望のデータ量を選択することができます。

サービスの仕様

シーケンシング条件	illumina NovaSeq6000, PE150
保証データ量 1), 2)	真核生物: 3 Gb, 6 Gb, 9 Gb, 12 Gb raw data/sample 原核生物: 1.2 Gb, 2.4 Gb raw data/sample
作業内容	品質チェック、mRNAリッチメント&ライブラリー作業 3)、 シーケンシング、バイオフィーマティクス解析 (有償オプション)
納品物 4), 5)	QCレポート シーケンシングデータ (FASTQ形式) バイオフィーマティクス解析データ (有償オプション) プロジェクトレポート
最低注文数	1サンプル
納期 (標準) 6)	1.5ヶ月 (バイオフィーマティクス解析付: 約2ヶ月)

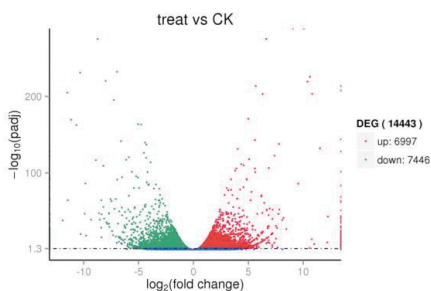
- QCに合格したサンプルが保証対象となります。
 - シーケンシング量は、1Gb単位で調整可能です。
 - ライブラリーはnon-directionalタイプですが、追加料金でstrand-specificタイプにも対応可能ですので、ご希望される場合はお知らせください。
 - 納品形態は、USB/HDD等の記録メディアとなります (NTFSフォーマット)。
 - プロジェクトによっては、納品物が変更される場合があります。
 - QC合格後となります。
- *本サービスは海外提携先での解析という性質上、キャンセルはお引き受けできません。やむを得ない理由でキャンセルされる場合、それまでの工程に応じた料金を請求します。QC結果、ライブラリー作製等の問題でサンプルを再送される場合、別途送料を請求します。

サンプル条件

真核生物用	
サンプルタイプ	Total RNA
量 (Qubit®)	≥1 μg (推奨量: ≥2 μg)
濃度	≥50 ng/μL
液量	≥20 μL
RIN	Animal: ≥6.8; Plant & Fungus: ≥6.3
純度	OD260/280: ≥1.7; OD260/230: ≥1.8
Buffer	ddH2O
原核生物用	
サンプルタイプ	Total RNA
量 (Qubit®)	≥3 μg (推奨量: ≥6 μg)
濃度	≥50 ng/μL
液量	≥20 μL
RIN	≥6.0
純度	OD260/280: ≥1.7; OD260/230: ≥1.8
Buffer	ddH2O

- 電気泳動を実施し、泳動写真を添付してください。
*泳動条件は、次を推奨します 1.0% agarose gel; 0.5%xTBE solution; 180V 16 min.
- DNase, RNaseフリーの1.5 mL又は2 mLのチューブを使用してください (スクリュューキャップ式を推奨します)。
- Total RNAは、RNase-free H₂Oに溶解し、-80°Cで保存してください。
- DNase処理を行うことを強く推奨します。
- UVスペクトルベースの濃度測定法では、RNAの濃度測定が不正確になる場合がありますので、蛍光ベースの定量法でも確認して頂くことを強く推奨します。
*UVスペクトルベースで測定した場合、上記よりも多いRNAを準備してください。
- サンプル送付先及び注意事項につきましては、「受託解析サービスの流れ」をご参照ください。
- サンプルの最終的な品質は、業務提携先でのQCチェックの結果に従いますこと、あらかじめご了承ください。
- FFPEサンプル由来RNAの場合は条件が異なりますので、お問い合わせください。

バイオフィーマティクス解析 (有償オプション)



発現変動遺伝子のボルケーノプロット

バイオフィーマティクス解析は、弊社提携先が用意する解析パッケージ、又は弊社の提供するデータマイニングサービスからお選びいただけます。解析パッケージには、マッピング、発現解析、発現差解析、GO/KEGGパスウェイ解析などが含まれています。

Gene Id	CK	Treat	log2FoldChange	pval	p-adjusted
FBgn0000639	36.17650266	252.4500919	-2.8029	2.83E-40	4.93E-37
FBgn0027611	14.36797269	54.31676236	-1.9185	1.00E-06	9.69E-05
FBgn0028400	39.36531292	6.325628725	2.6376	2.05E-07	2.23E-05
FBgn0028533	28.91921033	4.600457255	2.6522	7.99E-06	0.00064263

発現差解析

※解析パッケージのデータ例を掲載しています。

Price

サービス内容	保証データ量/サンプル	サンプル数	税別価格	カタログ#
真核生物用				
RNA-Seq受託解析サービス	3 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqE3- (サンプル数)
	6 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqE6- (サンプル数)
	9 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqE9- (サンプル数)
	12 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqE12- (サンプル数)
RNA-Seq受託解析サービス バイオフィーマティクス解析付	3 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqE3D- (サンプル数)
	6 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqE6D- (サンプル数)
	9 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqE9D- (サンプル数)
原核生物用				
RNA-Seq受託解析サービス	1.2 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqP1- (サンプル数)
	2.4 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqP2- (サンプル数)
RNA-Seq受託解析サービス バイオフィーマティクス解析付	1.2 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqP1D- (サンプル数)
	2.4 Gb raw data	1サンプル以上	お問い合わせ	F-Novo-RseqP2D- (サンプル数)

*掲載されている内容は、予告なく変更される場合がありますこと、予めご了承ください。