

Blast2GO® PRO



Blast2GO® PROは新規配列への機能アノテーション解析を行うウェブベースのソフトウェアです。Blast2GO® PROアカウントを使ってログインすることでBlast2GO®の信頼のおける環境で、より高度なアプリケーションをお楽しみいただけます。

特長

直感的なインターフェース

ウェット実験の研究者向けに設計されたソフトウェアです。初めてでも簡単に使用することができます。

多彩なデータマイニング

Blast2GO® PROは機能アノテーションが付加できるだけではなく、様々なグラフィカル機能や統計解析機能を使って、データの生物学的意義を調べることができます。Blast2GO® PROは、Gene Ontology Terms, InterPro Domains, Rfam Ids, Enzyme Codes, KEGG maps をサポートしています。

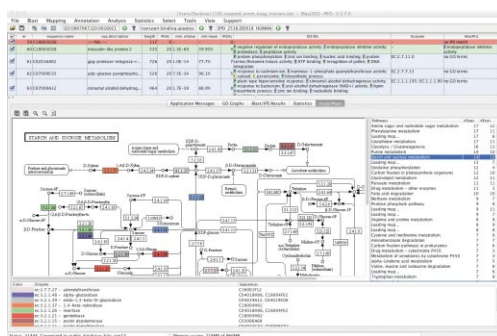
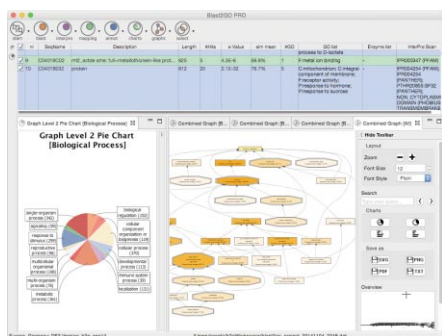
高度なシステム要件を必要としません

Blast2GO® PROはウェブベースのソフトウェアで、解析や計算は統合されたウェブサイトやbiobam社のクラウドを通して行われるため、安定したインターネット接続があれば解析が可能です。

主な機能

● Gene Ontology Annotation

- アノテーションによる機能付けができます。
- 配列間の相同性比較を行うBlast解析と、アミノ酸配列のドメイン・モチーフを調べるInterProScanを、同時に実行することが可能で、専用のクラウドを使用することで高速に解析が実行できます。
- GO Slimやエンリッチメント解析などユーザー定義のアノテーションスタイルが設定可能です。
- GOグラフの作成やアノテーション結果の円グラフ、棒グラフによる表示、各解析における統計データのチャートツリーマップ・ワードクラウドの作成など様々なグラフ化が可能です。

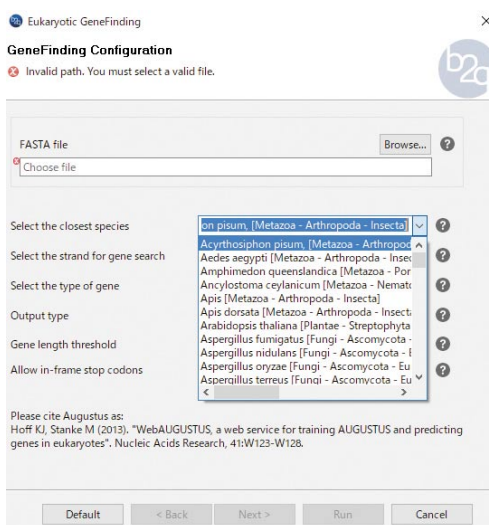


- 専用クラウドによる高速解析
- InterProScan
- Fisher's Exact Test
- Gene Set Enrichment Analysis (GSEA)
- GO Slim
- GOグラフの作成
- KEGG maps による表示

● Genome Characterization

• Blast2GO® PROでは、真核生物の遺伝子予測に使用されるソフトウェア「Augustus」と原核生物の遺伝子予測に使用されるソフトウェア「Gimmer」を組み込んだ遺伝子予測解析が可能です。

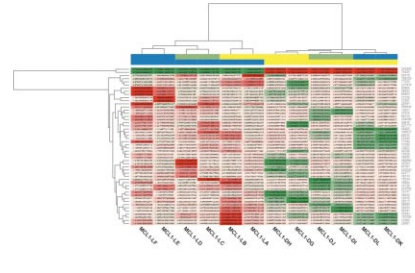
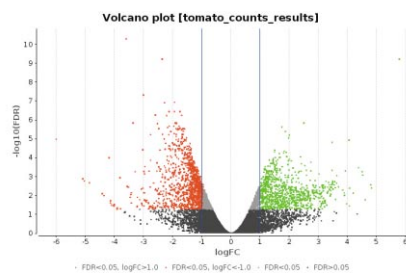
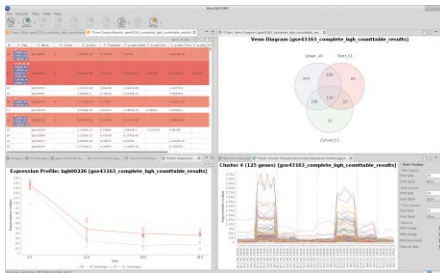
• 真核生物の遺伝子予測では、DNA配列のみ、およびRNA-Seq (BAMファイル) のデータと組み合わせた遺伝子予測がサポートされています。



- 原核生物の遺伝子予測
- 真核生物の遺伝子予測
- Coding Potential Assessment
- Rfam

● RNA-Seq

- ・新規Transcriptレベルの定量解析 (Fasta+Fastq)が可能です。
- ・RNA-Seqデータセットのクオリティチェック (FastQC)、トリミング、さらに「Trinity」のアルゴリズムを利用した、TranscriptomeデータのDe novo Assemblyに対応しています。
- ・RNA-Seqデータセットでの発現解析が行え、テストサンプルとコントロールサンプルの比較解析を行うことができます。
- ・解析結果からVolcano PlotやMA plot、ヒートマップなどのグラフ表示が可能です。
- ・時系列サンプルデータを用いた、経時変化の発現解析を行うことが可能です。



CloudBlastへのアクセス

CloudBlastは、Biobam専用のコンピューティング・クラウド上で、Blast+シーケンス・アライメントを安全かつ高速に実行することができます。また、スタンドアロン版 Blast2GO® PRO には、最初にComputation Unitsが付属しています。

このComputation Unitsは、CloudBlast解析を行うごとに消費されます。(InterProScanのCloud解析でも消費)

Computation Unitsはクラウドプラットフォームで実行される各アルゴリズム、入力データ、そのパラメーターによって消費ユニットが決まります。すべてのUnitsを使いってしまった場合は、追加で6 million Computation Unitsを購入することができます。



データベース	消費ユニット数
NR	42,144
Swissprot	242
Ref-seq	35,867
Viridiplantae	2,661

Computation Units消費一例

1000配列をCloud Blast にて解析した際の Computation Units 消費量
*あくまでも一例であり、使用するアルゴリズムや生物種で異なることもあります。

System Requirements

Blast2GO® PROはMac OS (10.9以降)、Windows7以降、Linux OS (Ubuntu14.4以降で最適化)で使用することができます。またLinuxシステムはgtk2-2.24が必要です。コンピューターは最低2GB以上のメモリを搭載しているものをご使用ください。また、多くの機能がインターネット接続を必要とします。もし、MySQLに直接接続してBlast2GO® PROを動作させる場合は、ネットワークポート(3006)を開放にしてください。

デモ版ダウンロード

<https://www.blast2go.com/free-b2g-trial>

Price

製品名	ライセンスタイプ	税別単価	カタログ#
Blast2GO® PRO 3)	アカデミック、1年間シングルコンピューターライセンス 1)	¥220,000	F-B2G-AC-S-1Y
	アカデミック、1年間マルチユーザーコンピューターライセンス 2)	¥531,000	F-B2G-AC-M-1Y
	コマーシャル、1年間シングルコンピューターライセンス 1)	¥550,000	F-B2G-CO-S-1Y
	コマーシャル、1年間マルチユーザーコンピューターライセンス 2)	¥1,319,000	F-B2G-CO-M-1Y
6 Million CloudBlast Computation Units	アカデミック、コマーシャル共通	¥59,000	F-CL-6M-CU

1) シングルコンピューターライセンスは、2台別のコンピューターで使用できますが、同時に使えるには1ユーザーとなります。

2) マルチユーザーライセンスは、5台別のコンピューターで使用でき、同時に5ユーザーが利用可能です。

3) こちらは単独で使用するソフトウェアです。CLC bio社製のソフトウェアでご利用になる場合はP.65のプラグイン版をご利用ください。

* テクニカルサポートは、電話、あるいは、電子メールでの対応のみとなります。

* 2年間、3年間ライセンスもごさいます。価格は弊社Web Siteでご確認ください。