

# 微生物16S菌叢解析Webツール BIOiPLUG

BIOiPLUGは、次世代シーケンサーから取得した微生物ゲノムデータの解析を行うための、Webベースの解析ツールです。次世代シーケンサーの各種プラットフォームから出力された配列データを用いて、細菌の菌種組成などの様々な微生物ゲノム解析用のアプリケーションを、一般的なWebブラウザ上の操作のみで、容易に実行することが可能です。

## 特長

### ● Webブラウザでデータベースに接続

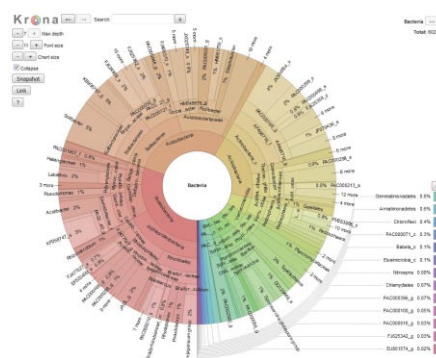
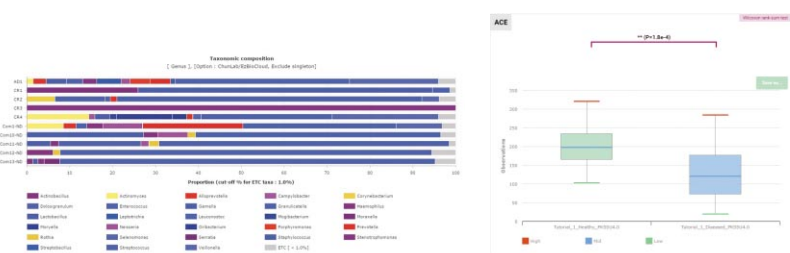
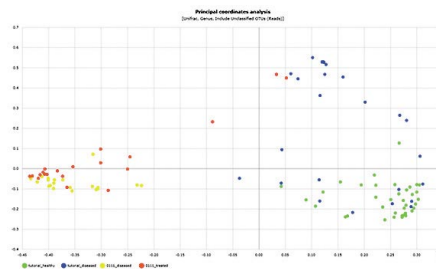
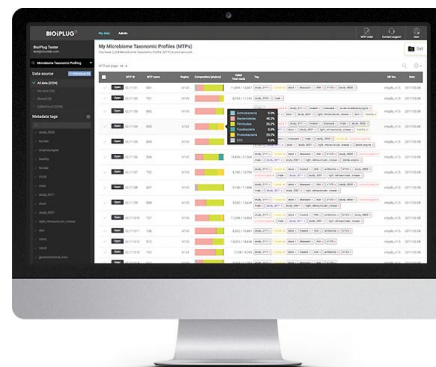
Webブラウザをインターフェイスとしてそのまま利用するため、別途ソフトウェアのインストールを必要とせず、また解析結果のデータはすべてBIOiPLUGのサーバーに保管されるため、Webブラウザからサーバーにアクセスするだけで、どこからでも解析結果の閲覧が可能です。サーバーには、解析に使用したすべてのサンプルのデータが保管されており、メタデータのタグ情報などを使用して、大量のサンプルが存在する場合も、容易にサンプル管理を行うことができます。

### ● 多彩なグラフ機能を搭載

一般的なバーチャートの他、各種クオリティーチェックデータのボックスプロット、デンドログラムなどの、様々なグラフ表示機能を搭載しています。16S rRNAメタゲノムデータでは、門～種までの各分類レベルの菌種組成データの表示が可能です。

### ● サンプル間の比較解析

16S rRNAメタゲノムデータのリードカウントデータの正規化を行い、様々な統計アルゴリズムを用いた、サンプル間の比較解析を行うことが可能です。作成したサンプルごとの菌種組成データは、任意のサンプルの組み合わせで、サンプル間比較用のデータセットを作成することが可能です。データセット作成後は、門～種の各階層ごとの菌種組成の比較データや、アルファ多様性とベータ多様性の比較結果、および比較結果のグラフを確認することが可能です。大量のサンプルデータをまとめて比較し、バイオマーカーの探索などに役立てることができます。



比較解析においても様々なデータマイニングを行うことができます。表示方法を変えることで、多角的な視点からデータを確認することができ、解析結果を資料などにまとめる際にも役立ちます。

Krona, Staked bar, Double pie Selected taxa, Rarefaction curve PCoA(2D,3D), UPGMA clustering, Word Cloudなどを搭載しています。

**デモ版ダウンロードをご希望の場合は弊社までご連絡ください**

## Price

製品名	ライセンスタイプ	税別価格	カタログ#
BIOiPLUG	1年間Basicライセンス(アカデミック) 1)	お問い合わせ	F-CH-MTP-BA
	1年間Basicライセンス(コマーシャル) 1)	お問い合わせ	F-CH-MTP-BC
	1年間Premiumライセンス(アカデミック) 2)	お問い合わせ	F-CH-MTP-PA
	1年間Premiumライセンス(コマーシャル) 2)	お問い合わせ	F-CH-MTP-PC

- 1) 年間200サンプルまで解析可能です。
- 2) 年間500サンプルまで解析可能です。
- \*さらに多くのサンプルデータを解析できるライセンスもございます。詳細はお問合せください。
- \*テクニカルサポートは、電話、あるいは、電子メールでの対応のみとなります。
- \*ご使用の際に、インターネット接続環境が必要となります。